

Cluster

Sur cette page, tips and tricks concernant le cluster, ainsi qu'un lien vers les logiciels spécifiques

Intro et logiciels

- La doc que vous recevez à la création de compte est [sur la baie](#)
- Le pole [Calcul et Simulation Numérique](#) dispose d'une page [cluster](#) avec une rubrique [formation](#). Consultez là ! :)
- **La liste des logiciels** disponible est sur [softwares](#), ainsi que comment compiler certaines choses sur votre home.

Nettoyage de jobs plantés

Parfois, des job annulés ou finis restent sur les noeuds: il faut les tuer à la main.

Si vous ne savez pas bien où vous en êtes, listez les noeuds sur lesquels vous avez un process qui tourne. Créer un fichier "show_process.sh" avec le contenu:

```
if [ "$1" != "" ]
then
    echo "finding processes of $1"
    for hostList in $(sinfo -h | awk '{print $6}' | sort -u); do
        for host in $(scontrol show hostname $hostList); do
            echo $host; ssh $host "ps aux | grep $1";
        done;
    done;
else
    echo "No username given"
fi
```

Puis rendez le executable: `chmod +x show_process.sh` et enfin lancez le avec votre username: `show_process.sh MON_LOGIN`

=====

Un fois les noeuds identifiés:

On voit, par exemple, que le job a été lancé sur `compute-1-1`, donc on s'y connecte: `ssh compute-1-1`

On liste les processus avec la commande `htop`.

Avec les flèches du clavier, déplacez vous sur le processus zombie, puis faites `F9` pour le tuer. Un menu s'ouvre à gauche, taper directement `entrée` pour le sigterm, ou déplacez vous en haut sur

sigkill si il est récalcitrant. Normalement, il disparait de la liste, libérant la place.

Ensute, pour nettoyer les fichiers, `cd /scratch`, puis `ls` pour trouver le dossier correspondant, et le supprimer, par example `rm -rf villani-xxxxx`.

Voilà !

Super squeue

Pour que la sortie donnée par la commande `_squeue_` soit vraiment utile, vous pouvez configurer un alias pour votre shell. Ca colore vos propre job, étend la colonne avec le nom, etc. Si vous avez bash, dans `~/.bashrc`, zsh, dans `~/.zshrc`, etc:

```
alias squeue='squeue -o "%5i %.9P %.22j %.8u %.2t %.10M %.5D %R" |
GREP_COLOR="01;31" egrep --color=always "^.*$USER PD.*$|$" |
GREP_COLOR="01;32" egrep -i --color=always "^.*$USER R.*$|$"'
```

Jupyter lab



On peut avoir un [JupyterLab](#) fonctionnel, qui tourne proprement sur un noeud du cluster avec une réservation.

Avant toute chose ! Python est séquentiel, sauf si vous lui dites autrement, et sauf librairies très spécifiques. Autrement dit, dans 99% des cas, ne réservez qu'un cœur pour votre notebook (ou renseignez vous sur les librairies que vous utilisez)

```
module load tools/cluster-bin
cluster-create-slurm-script-01.sh -jupyter-lab
```

Çà utilise le module anaconda/python3.

Faites vos résas comme d'habitude et soumettez. Si le job démarre alors que vous êtes conencté sur centaure, un message pop pour vous dire de regarder le fichier slurm-XXX.out. Procédez ensuite comme suit (en anglais parce voilà, comme dans le job):

You now have to connect to your notebook. Open slurm-XXX.out

1. Open a terminal from your desktop (NOT centaure) and create a tunnel to the compute where you notebook has been assigned, with the command below. It will have the correct values in the slurm-XXX.out. If you want the tunnel to stay in the background, remove use 'ssh -f ...'. Otherwise, don't forget to kill the tunnel once done.

```
ssh -L ${port}:localhost:${port} cluster ssh -L
${port}:localhost:${port} -N ${computenode}
```

2. Now look for the connection link to paste in your browser in the bottom of the file. It looks like `http://localhost:YYYY/?token=XXXXX`
3. Happy notebook use !
4. **VERY IMPORTANT:** when you are finished and have saved your notebook, you **must**, in jupyterlab, click on the menu: `File→Shut Down` . This way, the slurm job will finish properly, and your data will be copied back on your home folder (as usual in a subfolder 'youname-\$SLURM_JOB_ID'. If you do a scancel, you will have to copy your data from the compute scratch yourself and risk data loss if not done in the next days.

Notes:

- Attention à la durée de réservation, dans un sens comme dans l'autre. Si vous demandez une heure, au bout d'une heure, vous êtes éjecté, comme un job normal !
- Si vous voulez lancer avec un autre module python, modifiez le fichier job. Après `module load anaconda/python3` , ajoutez une ligne `conda activate mon_env`
- **Non recommandé, sauf si vous savez ce que vous faites.** Vous pouvez aussi lancer une résa en interactif et tout faire en manuel, par exemple
 - 'srun -p intensive.q -time=00:30:00 -ntasks-per-node 1 -pty bash'
 - ça vous mets sur, par exemple, compute-0-5
 - 'mkdir /scratch/villani_monjupyter && cd scratch/villani_monjupyter'
 - `module load anaconda/python3` (ou 2, ou autre, puis charger un de vos environnements locaux avec `conda activate mon_env`)
 - trouvez un port libre: `comm -23 <(seq 7777 8888 | sort) <(ss -Htan | awk '{print \$4}' | cut -d':' -f2 | sort -u)| shuf | head -n 1` ça vous sors par exemple 8146
 - `jupyter-lab -no-browser -port=8146`
 - faites le tunnel `ssh -L 8146:localhost:8146 cluster ssh -L 8146:localhost:8146 -N compute-0-5`
 - connectez vous depuis votre navigateur `http://127.0.0.1:8146/?token=XXXX`
 - `File→Shut Down` quand vous avez finis
 - rapatriez vos données du scratch avec un scp

Créer un module pour votre code utilisable avec module load

Let's say you want to use your code, for instance, **flatori**, on the cluster. To do that, you need to fill a file (per version of your code) containing the correct informations about path, etc. Let's say you want a module for version R0:

```
~/privatemodules/flatori/R0

##%Module1.0#####
###
## Flatori modulefile
##

proc ModulesHelp { } {
    global version modroot
    puts stderr "===== Flatori $version =====\n"
    puts stderr "Set correct environment variables and libraries \n"
```

```
}
```

```
set version      R0
set FLAT0RI      /export/home/$USER/path/to/flatori/
prepend-path PATH $FLAT0RI/where/is/the/binary
```

Then, you need to inform your shell that this module configuration file exists, in our case, add the path “~/privatemodules” to \$MODULEPATH in your shell rc. For bash, in your ~/.bashrc , add:

```
export MODULEPATH="$MODULEPATH:/export/home/$USER/privatemodules"
```

Et voilà, now you can see your module when typing `module avail` , and in our case, do `module load flatori/R0`

From:

<https://portail.emse.fr/dokuwiki/> - **DOC**

Permanent link:

<https://portail.emse.fr/dokuwiki/doku.php?id=recherche:cluster&rev=1619696045>

Last update: **29/04/2021 13:34**

